

自评估报告

本研究利用寡核苷酸芯片技术筛查单亲来源完全性葡萄胎相关基因的分析,发现 10 个与疾病显著相关的基因,同样用关键的基因差异显示技术和 DNA 芯片技术对研究内容进行了深入的探索,并在国内外首次报道了错配修复基因启动子甲基化参与了滋养细胞疾病的发病机制,自主诱导建立了绒毛膜癌耐药细胞株并进一步观察了相关基因表达谱的变化。

本课题组成员对本课题进行了系统的研究,研究成果在国内外发表相关学术论文 10 余篇,其中 SCI 论文 3 篇,国内一级期刊 5 篇,其他文章 4 篇;相关内容参加全国性会议 1 次;培养硕士研究生 1 名,博士研究生 3 名。圆满完成了课题设计的既定内容,另外对滋养细胞肿瘤耐药机制进行了从凋亡到差异蛋白显示的系统研究,为临床上对滋养细胞疾病的发病机制理解进行了理论探索,同时为临床对耐药病例的治疗提供了新的思路。

课题负责人: 陈怀增

2007 年 11 月 8 日